

ゲノム多様性研究室

Genome Diversity Laboratory

2021年度にできた研究室です。

メンバー: D5学生1名, D3学生2名, 研究員2名

Webページ: <https://www.genome.id>

准教授 森 宙史

Hiroshi Mori

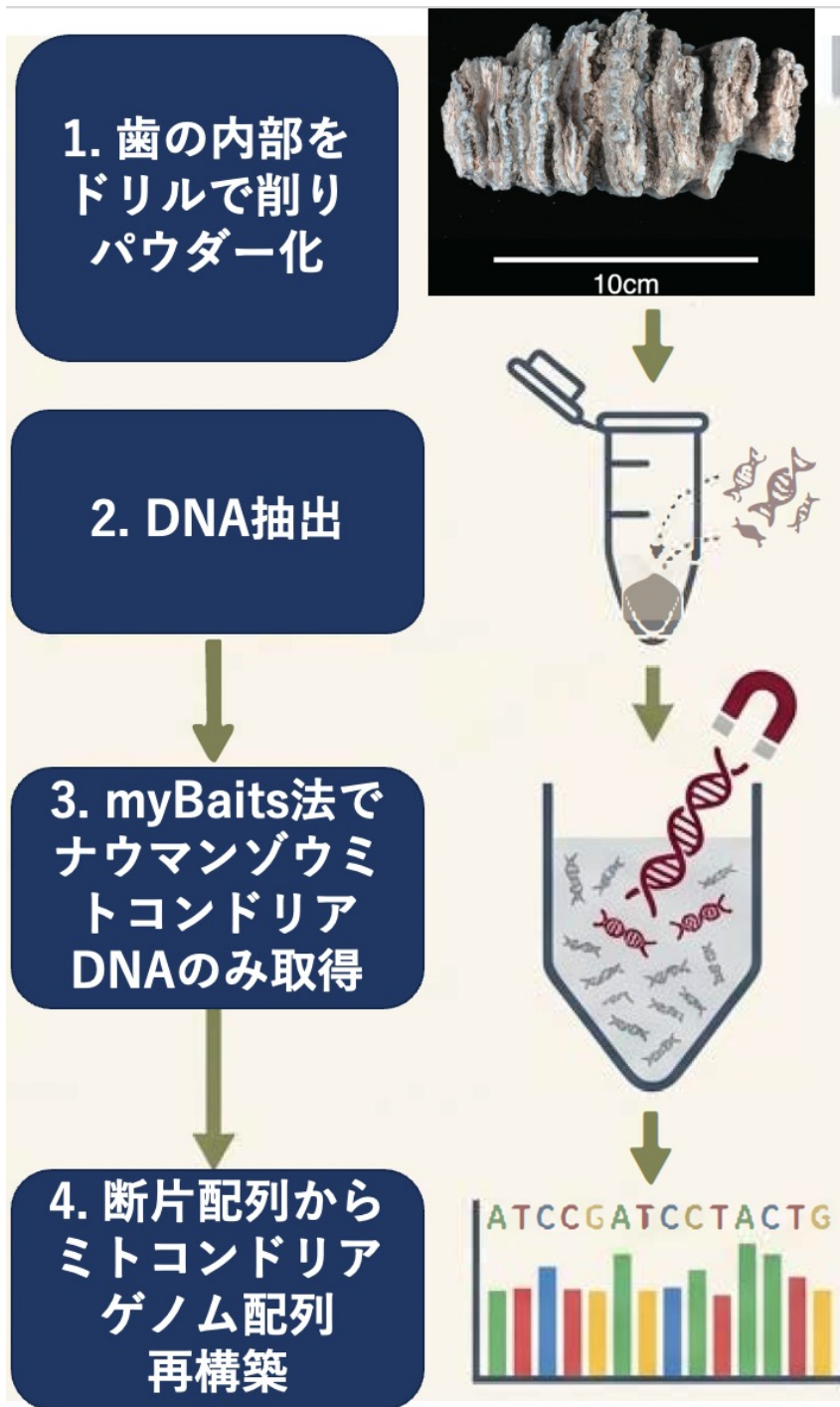
連絡先: hmori@nig.ac.jp

1. ゲノム配列の多様性と普遍性についてAIを用いて明らかにする
2. 遺伝子組成と生息環境との関係性の解明（主に微生物が対象）

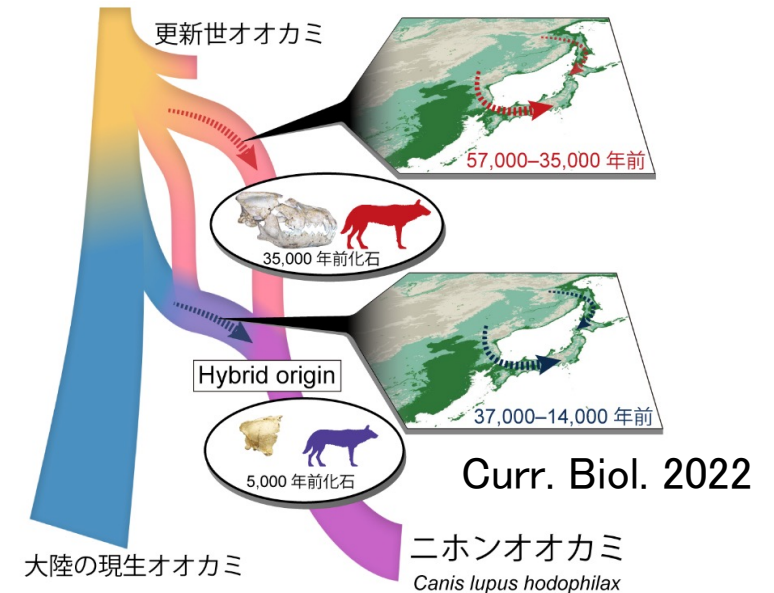
メタゲノム由来微生物ゲノムのデータベース
Microbiome Datahub (<https://mdatahub.org>)

メタゲノム由来大量タンパク質への
配列類似性検索ツールPZLAST-MAG
(<https://pzlast.nig.ac.jp/pzlast/mag>)

古代DNA (ancient DNA)解析の流れ



・ニホンオオカミの起源の解明



・ナウマンゾウの進化史の解明

iScience. 2026

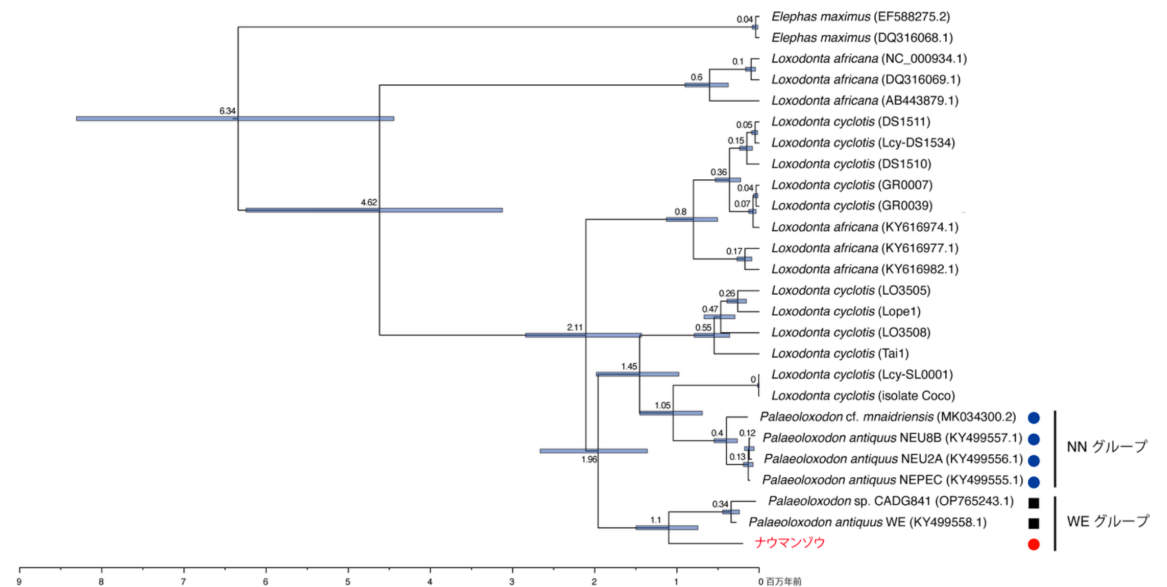


図3：パレオロクソンの系統樹と分岐年代。色は頭骨の形態を示す：赤＝原始的なシュトゥットガルト型、青＝ナマディクス型、黒＝形態型不明。ナウマンゾウ（赤）はWEグループに属し、約105万年前に分岐した最古の系統である。