

令和8年熊本地震被災地の研究者支援
「緊急共同利用・共同研究」のお知らせ

大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構
国立遺伝学研究所長 近藤 滋

令和8年熊本地震で被災された皆様に心よりお見舞いを申し上げます。

一刻も早い救援と1日も早い復旧を願うとともに、所員一同、それぞれのレベルでできる限りの協力を
する所存です。

このたびの地震では、大学・研究機関も大きな被害を受け、研究活動にも大きな支障が出ていると理
解しております。国立遺伝学研究所（以下、遺伝研）は、被災地で研究活動に困っておられる研究者・
学生の方々に本研究所に滞在して一定期間研究継続できる場を提供したいと考えています。このため
遺伝研では以下の様な要領で「緊急共同利用・共同研究」を公募いたします。

【緊急共同利用・共同研究】

研究室が被災し、研究遂行が困難になった研究者・学生を遺伝研に受け入れ、研究の場を提供します。
大学共同利用機関の共同利用・共同研究の枠組みを使って行いますので、関心のある方は、以下の
「研究系・各研究施設の担当教員及び研究の概要」をご参照の上、研究内容に関わりの深い所内教員
にご相談ください。適当な所内対応者が見つからない場合などには、総務企画課研究支援室研究推
進係(kyodo-mail@nig.ac.jp)までご相談ください。

1. 申請方法

例年の国立遺伝学研究所NIG-JOINT 共同研究(A)(B)に準じて募集を行います。

下記より申請書をダウンロードのうえ、WordまたはPDF形式でメール添付にて下記アドレスに提出して
ください。

・「緊急共同利用・共同研究」申請書 [\(Word\)](#) / [\(PDF\)](#)

【申込書提出先】 kyodo-mail@nig.ac.jp （管理部総務企画課研究支援室研究推進係）

2. 申請受付

本日より随時申請を受け付け、審査を迅速に行い採否をメールにてお知らせします。

3. 所要経費

予算の範囲内で遺伝研が、1件につき上限50万円までを負担します。資料の輸送費、遺伝研における研究費、遺伝研に來所するための旅費(交通費、滞在費)いずれにも使用することが可能です。旅費等の支払いは、情報・システム研究機構関連規程に基づき行うこととなります。

4. 研究期間

原則3か月程度とします。

5. 研究報告書等

研究終了後30日以内に所定の様式による報告書を提出してください。

・報告書様式([Word](#))

6. その他

遺伝研ではその他にも大学共同利用機関として研究を行う方法があります。

国立遺伝学研究所ホームページ

「遺伝研で研究する方法」 <https://www.nig.ac.jp/researchers/frontier-research/>

【連絡先・各種書類提出先】

〒411-8540 三島市谷田1111番地

大学共同利用機関法人情報・システム研究機構 国立遺伝学研究所

管理部総務企画課研究支援室研究推進係

電話: 055-981-6728

E-mail: kyodo-mail@nig.ac.jp

研究系等・各研究室の担当教員及び研究の概要

(2026年8月1日現在)

研究系等	研究室名等	担 当 教 員 名	研 究 の 概 要
情報研究系	系統情報	准教授 川本 祥子	本研究室ではナショナルバイオリソースプロジェクトを中心に、生物遺伝資源のデータベースの研究開発を行っている。
	ゲノム進化	教 授 黒川 顕	バイオインフォマティクスおよび統合データベースを武器として、生命科学や地球科学などからもたらされる多元情報を統合的に解析することで、微生物の進化、微生物群集ダイナミクスさらには生命と地球の共進化をゲノムレベルで解き明かす。
	ゲノム多様性	准教授 森 宙史	比較ゲノム解析やメタゲノム解析等の手法によって、ゲノムの多様性と普遍性、遺伝子組成と生息環境との関係性等を情報解析し、多様な生物のゲノム間で共通した特徴を明らかにする研究を主に行なっています。
	生命ネットワーク	教 授 有田 正規 助 教 越水 静	網羅的な代謝物の同定・計測（メタボロミクス）に基づく代謝ネットワークの研究、植物二次代謝物や脂質の生合成に関するバイオインフォマティクス。
	大量遺伝情報	教 授 中村 保一	大量塩基配列解析の効率化ならびに注釈情報の高信頼化に関わる研究。
	ヒト集団ゲノム	教 授 河合 洋介	大規模なゲノム解析で得られたデータを使って、人類の集団史や進化の基礎研究に加えて、疾患の病態解明を目指す応用研究を行っている。
ゲノム・進化研究系	遺伝情報分析	准教授 池尾 一穂	ゲノム構造や遺伝子発現パターンからみた生物の進化過程の解明、特に脳や神経系および感覚器に注目した進化の研究。また、様々な生物種のゲノム進化、メタゲノムによる生物多様性の研究。生命情報に関するデータベース構築やソフトウェアの研究開発。
	植物遺伝	教 授 佐藤 豊	イネ胚発生突然変異系統を用いて、植物の初期発生機構の解析を行っている。特に、初期胚の細胞分裂パターンと細胞分化の可塑性に着目した研究を行っている。
	進化遺伝	教 授 明石 裕	集団遺伝学的解析やゲノム比較といった手法を用いゲノム進化に関する研究を行う。特に現在は、生合成やクロマチン構造などの様々な生物で一般的に観察される現象が引き起こす弱い自然選択に注目をしている。

	生態遺伝学	教 授 北野 潤 助 教 山崎 曜	トゲウオ科魚類は、わずか数百万年の間に適応放散を遂げたことから、生物多様性の進化機構を研究する上で格好のモデル系です。トゲウオ科魚類をモデルとして、種分化と適応進化の遺伝機構を研究しています。
	比較ゲノム解析	特任教授 豊田 敦	超大規模情報に基づく生命システム全体像の理解をめざし、新型シーケンサとバイオインフォマティクスを駆使した先端ゲノミクス研究を行う。
	分子生命史	教 授 工樂 樹洋 助 教 川口 茜	ゲノムワイドな視野で分子生物学実験と DNA 情報解析を有機的に結び付け、脊椎動物に注目して、ゲノム進化プロセスの解明とそのメカニズムの究明のための研究を進めている。
遺伝形質研究系	共生細胞進化	教 授 宮城島 進也	葉緑体、ミトコンドリア、及びその他細胞内共生細胞の分裂増殖機構とその進化を、藻類、植物、原生生物等を用いて解析し、恒常的な細胞内共生関係の成立における一般原理を解明する。
	植物細胞遺伝	教授 野々村 賢一 助教 Harsha Somashekar	イネの種子不稔突然変異体の解析を通じて、植物生殖細胞の初期発生過程および染色体動態を制御する遺伝子群の解明を目指す。
	神経回路構築	教 授 岩里 琢治 特任助教 松本 直之	ノックアウトマウス、トランスジェニックマウス、in vivo イメージングなど多彩な手法を複合的に用いて、哺乳類中枢神経回路の発達と機能の分子・細胞機構の解明を目指している。
	神経システム病態	准教授 浅川 和秀 助 教 中條 暖奈	ゼブラフィッシュを主なモデルとして用い、運動神経回路を行動、回路、細胞、分子レベルで研究する。多角的で深い基礎研究から、運動ニューロンの脆弱性を理解し、ALS 克服への貢献を目指す。
	多細胞構築	教 授 澤 斉 助 教 根岸 剛文	細胞系譜の解析が容易な線虫を用いて、非対称細胞分裂によって多種多様な細胞が作られる機構を研究している。
	脳機能	教 授 平田 たつみ	主にマウスを用いて、脊椎動物の神経発生、特に神経回路形成機構の解析を行っている。
	マウス開発	准教授 小出 剛	野生由来マウス系統等の行動表現型を明らかにし、遺伝解析手法を用いて関連遺伝子の同定、機能解析を行っている。さらに、ゲノム編集を用いた遺伝子改変マウス作製技術の開発および機能解析への応用を進めている。
		助 教 松本 彰弘	マウスやマーモセットを用いて視覚神経回路の構造や機能、発達、疾患、環境適応を遺伝子や神経回路生理、行動などの多階層で理解することを目指す。

遺伝メカニ ズム研究系	ゲノムダイ ナミクス	教 授 前島 一博	細胞内のゲノム DNA の折り畳み構造やダイナミクス、さらにそれらの機能制御について、細胞生物学、物理、化学など幅広い手法を用いて研究を進めている。
	細胞建築	教 授 木村 暁 助 教 鳥澤 嵩征	線虫 <i>C.elegans</i> 胚における核と染色体の細胞内動態・小器官の流動現象・細胞質分裂を主な対象として、定量計測やコンピュータ・シミュレーションを駆使した「細胞建築学」の発展を目指している。
	染色体 生化学	教 授 村山 泰斗 助 教 黒川 裕美子	精製タンパク質を用いた試験管内再構成実験を用いて、染色体動態制御について研究しています。特に、染色体構造の主要な構成因子である SMC 複合体の機能を明らかにすることを目指しています。
	物理細胞 生物学	准教授 島本 勇太 助 教 田中 真仁	核や紡錘体などの細胞内構造が持つ自己組織化能と力学応答性の研究を行っている。ガラス製微細探針を使った細胞内マニピュレーション、光ピンセット、一分子蛍光イメージング、インビトロ再構成などの手法を開発しながら定量性の高い研究を進めている。
	分子細胞 工 学	教 授 鐘巻 将人 助 教 山口 幸佑	ヒト培養細胞における DNA トランスアクションを理解するために、オーキシンドグロン法によるコンディショナル変異細胞作成をおこない分子遺伝学、細胞生物学的手法を用いて解析をしている。またヒト細胞の解析に必要な新たな細胞株構築技術を開発している。
	無脊椎動物 遺 伝	教 授 齋藤 都暁	キイロショウジョウバエを用いて、エピトランスクリプトームの生理的意義やヒト希少疾患研究を展開している。
新分野創造 研究系	遺伝子量 生物学	准教授 佐々木 真理子	出芽酵母とヒト培養細胞において DNA 量を変化させるゲノム変化機構を遺伝学および分子生物学的手法を用いて研究しています。数 Mbp の巨大 DNA の抽出およびパルスフィールドゲル電気泳動法による分離なども行っています。
	植物進化	准教授 福島 健児	バイオインフォマティクスと分子生物学実験を組み合わせ、さまざまな生物、特に植物に焦点を当てて革新的形質進化の仕組みを研究しています。
	理論生態 進化	准教授 山道 真人	種内の遺伝的多様性と群集内の種多様性の相互作用に着目し、数理モデル解析・プランクトンの培養実験・メタ解析を組み合わせ、迅速な進化と生態学的プロセスとの間に働く複雑なフィードバックを研究している。

薬品・アイ ソトープ 管理ユニッ ト		助 教 安達 佳樹	線虫にて microRNA による転写後制御を研究して おり、microRNA や標的遺伝子を検出する方法の開 発と活用を進めている。
バイオデー タ研究拠点 (BSI)	ライフサイ エンス統合 データ ベース部門 (DBCLS)	教 授 五斗 進 特任教授 片山 俊明 特任准教授 川島 秀一 特任准教授 川嶋 実苗 特任准教授 金 進東 特任准教授 畠中 秀樹 特任准教授 藤原 豊史 特任准教授 箕輪 真理 特任准教授 守屋 勇樹 特任准教授 山本 泰智 特任助教 千葉 啓和 特任助教 細田 正恵 特任助教 森岡 勝樹	生命科学・医薬分野のデータを利活用しやすくする ためのデータベース構築とそれに関する研究開発を 進めています。またその成果を創薬などの応用研究 につなげることを目指しています。
統合研究 コア (NIGiRC)	先端ゲノミ クス推進部 門 シーケンシ ング室	特任教授 豊田 敦 准教授 後藤 恭宏	ゲノム解析を基盤にした細菌の遺伝的多様性や進化 に関する研究を通じて、それらを駆動する選択メカ ニズムや環境中での実態について理解することを目 指す。
	先端ゲノミ クス推進部 門 データ解析 室	特任教授 野口英樹 准教授 森 宙史 特任准教授 小杉 俊一 特任准教授 KRYUKOV, Kirill 特任助教 寺内 真	多様な生物種の配列データから、ゲノム構造の再構 築や機能領域推定を行うための情報科学的手法の開 発、およびその適用研究。次世代、次次世代シーケ ンサを活用した、新しい解析手法の開発。