

2026年6月4日

報道機関 各位

【配信先】新潟県政記者クラブ、文部科学記者会、科学記者会
筑波研究学園都市記者会、農政クラブ、農林記者
会、農業技術クラブ

新潟大学
横浜市立大学
農研機構
国立遺伝学研究所
理化学研究所

ダイズ種子発生のエピジェネティクス

－ダイズの種子発生を支える
クロマチン制御機構の一端が明らかに－

【本研究成果のポイント】

- ダイズでは DDM1 が失われると発芽後に生育できなくなる。
- エダマメ（未熟種子）では、光合成に関わる遺伝子の発現に DDM1 が必要である。
- DDM1 量の低下による影響は、ヘテロクロマチンよりもユークロマチンの遺伝子で先に現れる。

植物を含む真核生物の核ゲノムは、遺伝子を多く含み比較的活発に働く「ユークロマチン」^{注1}と、トランスポゾン（動く DNA 配列）^{注2}などの反復配列を多く含む「ヘテロクロマチン」と呼ばれる領域に大別されます。植物では、ヘテロクロマチンは DNA メチル化などによりエピジェネティクス^{注3}に抑制されており、この抑制にはクロマチンリモデリング因子の Decreased in DNA methylation 1 (DDM1)^{注4}が中心的な役割を果たしています。

新潟大学大学院自然科学研究科博士後期課程の Ahsen Gers さん、同大学農学部の深井英吾准教授、横浜市立大学木原生物学研究所の殿崎薫准教授、農研機構の加賀秋人グループ長、国立遺伝学研究所の豊田敦特任教授、理化学研究所バイオリソース研究センターの川勝泰二室長らの研究グループは、ダイズでは DDM1 がユークロマチンの遺伝子の発現制御にも関与していることを明らかにしました。

1. 研究の背景

顕花植物のゲノムサイズ（核ゲノム DNA の塩基配列長）は、植物種によって大きく異なります。例えば、モデル植物のシロイヌナズナのゲノムサイズは 130Mbp（メガ塩基対）、ダイズは 1.1Gbp（ギガ塩基対）です。一方で、遺伝子数はシロイヌナズナで約 25,000 個、ダイズは約

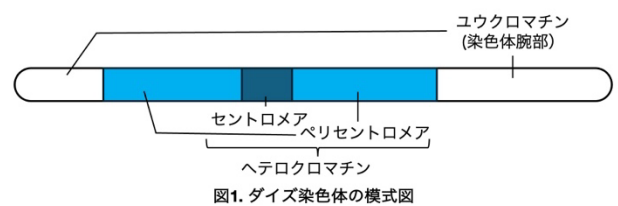
60,000 個であり、ゲノムサイズほどの違いはありません。つまり、ダイズはシロイヌナズナの 10 倍の大きさのゲノムを持つものの、遺伝子数は 2.5 倍程度にとどまります。これは、ダイズゲノムに「遺伝子以外の領域」が多く含まれていることを示しています。この「遺伝子以外の領域」の一つが、トランスポゾン（動く DNA 配列）です。トランスポゾンはゲノム内を移動する能力を持ち、その過程でコピー数を増やすことができます。そのため、トランスポゾンは植物のゲノムサイズや構造変化に大きく関わってきたと考えられています。

しかし、トランスポゾンが活発に動くと、重要な遺伝子の中に入り込み、遺伝子の働きを乱す可能性があります。そのため、植物はトランスポゾンの「働きを抑える」仕組みを備えています。実際、ゲノム内の多くのトランスポゾンは、通常はほとんど動かない状態に保たれています。この働きを抑える仕組みには、DNA メチル化やヒストン修飾を介したエピジェネティックな転写抑制が重要な役割を果たしています。

Decreased in DNA methylation 1 (DDM1)は、シロイヌナズナで見出されたクロマチンリモデリング因子です。この DDM1 の機能欠損変異体では、ゲノム全体、特にヘテロクロマチンにおける DNA メチル化が大幅に低下し、トランスポゾンの脱抑制が起こります。それにもかかわらず、シロイヌナズナの場合、変異体は生育可能であり、種子をつけることができます。一方、イネ、トウモロコシ、トマトなどの農作物では、DDM1 の機能欠損変異体では、不稔や胚発生致死などの重篤な異常が生じることが知られていました。しかし、DDM1 を失ったときの影響が、シロイヌナズナとこれらの作物で、なぜ大きく異なるのかは十分に分かっていませんでした。

II. 研究の概要・成果

ダイズのゲノムの 60%はセントロメアとペリセントロメアからなるヘテロクロマチンで占められており、遺伝子を多く含むユークロマチンは残り 40%の染色体腕部に分布しています（図 1）。私たちは、このような巨大なペリセントロメアを持つダイズにおいて、DDM1 がどのような機能を果たしているのかに興味を持ち、ダイズの DDM1 機能欠損変異体を解析しました。



まず、ダイズには DDM1 遺伝子が 2 つ存在することがわかりました。そこで、ダイズ品種エンレイに変異を誘導した集団から逆遺伝学的にそれぞれの遺伝子の機能欠損変異を見つけました。次に 2 つの DDM1 遺伝子の両方の機能を失った、ダブルミュータントを得るために、どちらか一方の DDM1 遺伝子に変異を持つシングルミュータント同士を交配しました。しかし、生育した植物体の中から、ダブルミュータントは得られませんでした。原因を調べたところ、ダブルミュータント由来の種子は見た目にはほぼ正常でしたが、発芽後に成長を停止し、最終的に枯死することがわかりました（図 2）。これにより、ダイズにおいて DDM1 が発芽後の生育に必須であることが明らかになりました。

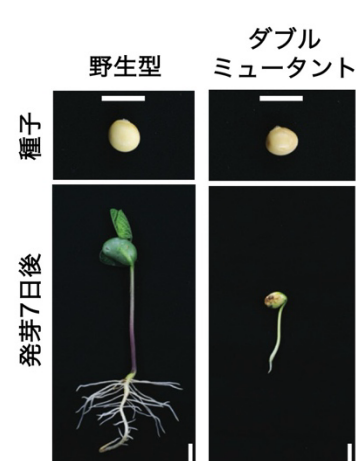


図2. ダブルミュータントの発芽後致死性

次に、ダブルミュータントにおいてどのような遺伝子の発現が変化しているか調べるため、未熟種子（エダマメの収穫期と同じような時期の種子）を用いて解析を行いました。その結果、約 1,950 個の遺伝子で発現上昇していることがわかりました。約 3,000 個のトランスポゾンにおいても発現上昇が見られ、DDM1 の機能欠損により大規模なトランスポゾン活性化が起きていることが明らかになりました。さらに、ゲノム全体で DNA のメチル化が大きく低下しており

(図3)、ダイズにおいても DDM1 が DNA メチル化の維持に重要であることが確認されました。

続いて、DDM1 の機能低下によって発現が上昇した遺伝子を詳しく解析しました。その結果、1,400 個の遺伝子は、DDM1 の機能を部分的に保持している変異体 (シングルミュータントなど) でも転写上昇していました。一方、約 550 個の遺伝子は、DDM1 の機能を完全に失ったダブルミュータントでのみ発現が上昇していました。前者の遺伝子は主にユークロマチンに、後者の遺伝子は主にヘテロクロマチンに分布していました。これらの結果から、DDM1 量が低下すると、まずユークロマチンに存在する遺伝子の発現異常が生じ、DDM1 機能が完全に失われると、ヘテロクロマチンに存在する遺伝子にも影響が広がることになりました。

一方、ダブルミュータント特異的に発現が低下した遺伝子の中には、15 個の光合成関連遺伝子が含まれていました。また、ダブルミュータントのエダマメでは、デンプン含量の低下も見られました。これらの結果から、DDM1 はエダマメ内での光合成関連遺伝子の発現や、種子内の代謝維持に必要であることが示されました。

以上より、ダイズにおいて DDM1 が正常な種子発生に不可欠であることが明らかになりました。DDM1 の完全な欠損は、大規模なトランスポゾン活性化、DNA メチル化の低下、光合成関連遺伝子の発現低下を引き起こしました。一方で、DDM1 機能が部分的に低下した場合には、従来から作用することが知られてきたヘテロクロマチンよりも先に、ユークロマチンに存在する遺伝子の発現異常を引き起こすことが分かりました。ダブルミュータントの致死性が、ダブルミュータント特異的な遺伝子発現変動のみによるのか、ユークロマチン遺伝子の発現変動との相乗効果によるのかは、現段階では分かっていません。本研究では、野生型、DDM1 の機能を部分的に保持する変異体、DDM1 の機能を完全に失った変異体を比較することで、DDM1 がヘテロクロマチンだけでなく、ユークロマチンに存在する遺伝子の発現制御にも関与することを明らかにしました。

III. 今後の展開

DDM1 によるユークロマチン遺伝子の発現制御が、ダイズ以外の植物種でも共通して見られる現象なのか、また、その制御が分子レベルでどのように起きているのかは、まだ分かっていません。今後、ゲノムサイズやヘテロクロマチンの割合が異なる植物種で DDM1 の機能を比較することで、植物種がそれぞれのゲノム構造に応じて、ヘテロクロマチン制御機構をどのように最適化してきたのかを明らかにできると期待されます。

IV. 研究成果の公表

本研究成果は、2026 年 5 月 21 日、英国科学誌「The Plant Journal」の電子版に掲載されました。

【論文タイトル】 Differential regulation of heterochromatin and euchromatin by GmDDM1 during seed development ensures seedling viability in soybean.

【著者】 Ahsen Gers, Kana Shiraishi, Kaoru Tonosaki, Satoru Okamoto, Akito Kaga, Ryota

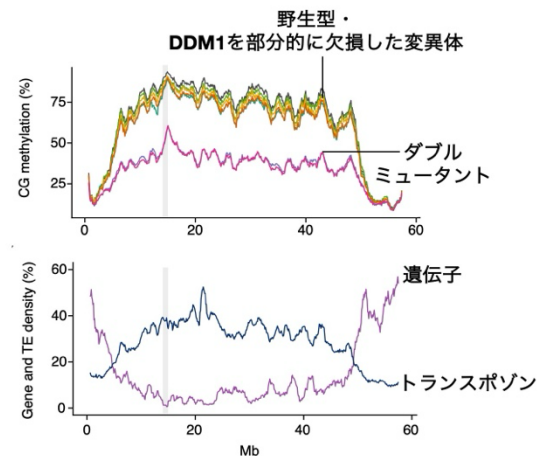


図3. ダブルミュータントの大幅なDNAメチル化低下ダイズ第1染色体のデータ。
上: CGサイトのDNAメチル化レベル。
下: トランスポゾンと遺伝子の頻度。
トランスポゾンが多い領域、つまりヘテロクロマチンでのDNAメチル化低下が顕著である。

Kuroda, Jun-Ichi Matsuoka, Atsushi Toyoda, Taiji Kawakatsu, Chiho Maruko, Kazuki Takahashi, Keiichi Okazaki, Moeko Okada and Eigo Fukai
【doi】 10.1111/tpj.70921

V. 謝辞

本研究は JSPS 科研費 JP16H06279 (PAGS), JP19K05967, JP23K05163, JP25K01994 の助成を受けて行われました。

【用語解説】

(注 1) ユークロマチンとヘテロクロマチン

DNA とヒストンなどのタンパク質が形成する複合体をクロマチンといいます。核ゲノムにおいて、クロマチンが密に凝集し高次構造をとっている領域をヘテロクロマチン、クロマチンの凝集がゆるい領域をユークロマチンといいます。前者では DNA から RNA への転写が抑制される一方、後者では転写が盛んに行われる傾向があります。

(注 2) トランスポゾン (動く DNA 配列)

ゲノム内の位置を移動 (転移) できる DNA 配列の総称。転移先の塩基配列を変えてしまう生物内在の変異源なので、トランスポゾンはヘテロクロマチンとして認識され、転写が抑制されていることが多い一方、過去のトランスポゾンの転移が生物の進化に貢献しているケースもあり、生物の役に立つこともあります。

(注 3) エピジェネティクス

DNA 配列以外の遺伝情報の総称。例えば、真核生物の核ゲノム DNA のシトシンにはメチル基が付加されることがあり、これを DNA メチル化といいます。同一の DNA 配列でも、DNA メチル化されている場合とされていない場合で、DNA から RNA への転写効率に違いがあることがあります。ヒストンは DNA が巻き付いてクロマチンを構成するタンパク質ですが、ヒストンの種類や修飾によっても転写活性に違いがあることが知られています。

(注 4) Decreased in DNA methylation 1 (DDM1)

植物のヘテロクロマチン維持に必要なクロマチンリモデリング因子。植物では広く保存されており、この機能欠損変異体ではゲノム全体、特にヘテロクロマチンの DNA メチル化レベルが低下し、トランスポゾンが活性化されます。機能欠損変異体は、モデル植物のシロイヌナズナ (*Arabidopsis thaliana*) は正常に生育できる一方、本研究のダイズを含む作物では致死や不稔を示すことが知られています。

本件に関するお問い合わせ先

【研究に関すること】

新潟大学農学部

准教授 深井英吾（ふかいえいご）

TEL：025-252-7884

E-mail：ef@agr.niigata-u.ac.jp

【広報担当】

新潟大学広報事務室

TEL：025-262-7000

E-mail：pr-office@adm.niigata-u.ac.jp

横浜市立大学 総務部総務課 広報担当

TEL：045-787-2414

E-mail：koho@yokohama-cu.ac.jp

農研機構

お問い合わせフォーム：

<https://www.naro.go.jp/inquiry/index.html>

国立遺伝学研究所 広報室

E-mail：prkoho@nig.ac.jp

理化学研究所 広報部 報道担当

TEL：050-3495-0247

E-mail：ex-press@ml.riken.jp