

2016年度国立遺伝学研究所共同研究、研究会採択一覧

【共同研究(A1)】

課題番号	研究代表者			研究課題	新規/継続		所内研究代表者	
	所属	職	氏名		過年度	所属	氏名	
1	山梨大学大学院 総合研究部	准教授	大山 拓次	DNA複製開始因子-DNA修復酵素複合体のX線結晶構造解析	継	2015(A1)	微生物遺伝研究部門	荒木 弘之
2	長崎大学 医学部共同利用研究センター	講師	増本 博司	解糖系の活性化を引き起こす代謝制御機構の解明	継	2014(A) 2015(A1)	微生物遺伝研究部門	荒木 弘之
3	東北大学 大学院生命科学研究所	助教	丸山 真一朗	微細藻類の形質転換体系を用いた光合成遺伝子の機能解析	新		共生細胞進化研究部門	宮城島 進也
4	琉球大学 機器分析支援センター	准教授	八木沢 美美	ミトコンドリアとリソソームの相互作用における分子メカニズムの解明	新		共生細胞進化研究部門	宮城島 進也
5	Department of Physiological Sciences II, Faculty of Medicine, University of Barcelona	Associate Professor	Alejandro Barrallo-Gimeno	Screening of zebrafish transgenic lines in search for fluorescent reporters in pronephros, muscle and nervous system	新		初期発生研究部門	川上 浩一
6	Institute of Neuropathology, University Medical Center Bonn	Research fellow	Anna Sophia Japp	Screening of Gal4 Zebrafish lines	新		初期発生研究部門	川上 浩一
7	青山学院大学 理工学部	教授	平田 普三	シナプス可塑性操作による動物行動操作	継	2015(B)	初期発生研究部門	川上 浩一
8	Center from Marine Sciences of the Algarve	Researcher	Marco António Campinho	Screening for thyroid hormones responsive zTRAP lines	新		初期発生研究部門	川上 浩一
9	Lab for Population Genetics, National Laboratory Astana Nazarbayev University, Astana, Kazakhstan	Researcher	Ayken Askapuli	Genetic Profiling of Iron Age Human Remains from the Altay Mountains, Kazakhstan	新		集団遺伝研究部門	斎藤 成也
10	総合研究大学院大学 先導科学研究科	准教授	飯田香穂里	国立遺伝学研究所所蔵資料のアーカイブズ研究-特に木村資生関係資料および同研究所創設に関する資料について	新		集団遺伝研究部門	斎藤 成也
11	東京大学 大学院理学系研究科	教授	植田 信太郎	古代ゲノムデータに対する解析パイプラインの構築	新		集団遺伝研究部門	斎藤 成也
12	国立科学博物館 人類研究部	研究員	神澤 秀明	縄文人リファレンスゲノムの構築および日本列島人・東アジア人の成立史解明	新		集団遺伝研究部門	斎藤 成也
13	Department of Genetics and Evolution, University of Geneva	Assistant Professor	Da DI	Computer simulation of modern human colonisation of Japanese Archipelago using genetic data	新		集団遺伝研究部門	斎藤 成也
14	静岡大学 理学部	准教授	日下部 誠	海型・淡水型イトヨにおける浸透圧調節因子の同定	新		生態遺伝学研究部門	北野 潤
15	富山大学大学院 医学薬学研究部	助教	竹内 勇一	タンガニイカ湖産鱗食魚の利きに関わる遺伝子の同定	継	2015(A1)	生態遺伝学研究部門	北野 潤
16	琉球大学 熱帯生物圏研究センター	教授	山平 寿智	メダカ属の日長応答性進化の遺伝機構	継	2014(A) 2015(A1)	生態遺伝学研究部門	北野 潤
17	University of Madras	Professor	A.K.Munirajan	Transcriptome Profiling of Oral Squamous Cell Carcinoma of South India using Next Generation Sequencing	新		人類遺伝研究部門	井ノ上 逸朗
18	国立成育医療研究センター研究所 ゲノム医療研究部	部長	要 匡	ゲノム難読領域解読を目指した解析法の検討と実践	新		人類遺伝研究部門	井ノ上 逸朗
19	金沢大学 医薬保健研究域医学系	准教授	細道 一善	HLA-omics に基づく薬剤副作用予防診断システムの構築	新		人類遺伝研究部門	井ノ上 逸朗
20	北海道大学 大学院理学研究院	助教	伊藤 秀臣	熱活性型トランスポソンの転移とその制御機構の解明	継	2014(A) 2015(A1)	育種遺伝研究部門	角谷 徹仁
21	筑波大学 生命環境系	教授	柴 博史	植物におけるエピゲノム動態の解析	新		育種遺伝研究部門	角谷 徹仁
22	名古屋大学 大学院理学研究科	助教	清光 智美	AID法と CRISPR/Cas 技術の融合によるヒト Ran-GTP 濃度勾配の分裂期特異的破壊操作と分裂期機能の解明	継	2014(B) 2015(A1)	分子細胞工学研究部門	鐘巻 将人

課題 番号	研究代表者			研究課題	新規/継続		所内研究代表者	
	所 属	職	氏 名			過年度	所属	氏名
23	群馬大学 大学院医学系研究科	講師	小西 昭充	AIDシステムを利用したヒト細胞でのシエルリン複合体によるテロメア機能の解析	新		分子細胞工学 研究部門	鐘巻 将人
24	兵庫県立大学 大学院生命理学研究科	准教授	塩見 泰史	AID 法によるコンディショナル変異ヒト細胞を用いた Elg1-RFC の機能解析	新		分子細胞工学 研究部門	鐘巻 将人
25	東北大学 加齢医学研究所	教授	田中 耕三	ゲノム編集技術を用いた誘導性ノックダウン法による染色体分配制御機構の解明	新		分子細胞工学 研究部門	鐘巻 将人
26	東京理科大学 基礎工学部	准教授	西野 達哉	真核生物染色体分配複合体の構造と機能解析	新		分子細胞工学 研究部門	鐘巻 将人
27	東京大学大学院理学系研究科附属臨海実験所	特任助教	大森 紹仁	X線CT装置を用いた祖先型新口動物およびその寄生動物の発生学的・自然史学的研究	新		哺乳動物 遺伝研究室	城石 俊彦
28	順天堂大学医学部 附属静岡病院 外科	准教授	折田 創	ストレスによる消化管機能異常に対する腸炎モデルマウスを用いた検討	新		哺乳動物遺伝 研究室	城石 俊彦
29	順天堂大学医学部 附属静岡病院 腎臓内科	先任准教授	清水 芳男	マウス実験腎炎における腎糸球体半月体形成の遺伝的影響	新		哺乳動物 遺伝研究室	城石 俊彦
30	理化学研究所 バイオリソースセンター	開発研究員	田村 勝	マウス胎仔高速表現型解析技術の開発	継	2014(A) 2015(A1)	哺乳動物 遺伝研究室	城石 俊彦
31	香川大学 総合生命科学研究センター	准教授	宮下 信泉	日本産野生マウス由来のMSM系統およびコンソミック系統を用いた、マウス肺腫瘍発生関連遺伝子のマッピング	継	2014(A) 2015(A1)	哺乳動物 遺伝研究室	城石 俊彦
32	広島大学 大学院医歯薬保健学研究院	講師	小久保 博樹	心筋分化機構の解析	新		発生工学 研究室	相賀 裕美子
33	横浜国立大学 工学研究院	准教授	鈴木 敦	マウス生殖細胞発生におけるRNA結合タンパク質DND1の機能解析	新		発生工学 研究室	相賀 裕美子
34	東京都医学総合研究所 依存性薬物プロジェクト	主席研究員	笠井 慎也	野生由来コンソミックマウス系統群を用いたアルコール嗜好性の遺伝子メカニズム解析	新		マウス開発 研究室	小出 剛
35	麻布大学 獣医学部	教授	菊水 健史	野生種マウスにおける情動伝染様式の解析	継	2014(A) 2015(A1)	マウス開発 研究室	小出 剛
36	立命館大学 薬学部	教授	高田 達之	琵琶湖固有魚ホンモロコ生殖細胞の未分化維持、 <i>in vitro</i> 分化培養の開発	新		小型魚類 開発研究室	酒井 則良
37	静岡大学 理学部	教授	徳元 俊伸	ゼブラフィッシュにおける性転換の起源となる未分化生殖細胞の同定と分離培養	新		小型魚類 開発研究室	酒井 則良
38	愛媛大学 理工学研究科	教授	井上 雅裕	外生乳酸菌による植物成長促進機構の解明と局所微生物相変化についての遺伝学的検証	新		原核生物 遺伝研究室	仁木 宏典
39	九州大学 大学院薬学研究院	教授	片山 勉	大腸菌染色体の複製ヘリカーゼと新奇分配因子 CrfC の細胞内分子動態の解析	継	2014(B) 2015(A1)	原核生物 遺伝研究室	仁木 宏典
40	立教大学 理学部	准教授	塩見 大輔	バクテリアアクチンによる細胞極性制御機構の解析	新		原核生物 遺伝研究室	仁木 宏典
41	名古屋市立大学 大学院システム自然科学研究科	准教授	田上 英明	染色体制御複合体の質量分析解析	継	2015(A1)	原核生物 遺伝研究室	仁木 宏典
42	学習院大学 理学部	教授	菱田 卓	DNA二本鎖切断修復に関与するRecN SMC 様タンパク質の機能解析	新		原核生物遺伝 研究室	仁木 宏典
43	京都大学 放射線生物研究センター	講師	古谷 寛治	チェックポイントタンパク質Rad9の分裂期キナーゼによるリン酸化の普遍的意義	継	2015(A1)	原核生物 遺伝研究室	仁木 宏典
44	杏林大学 医学部	教授	粟崎 健	ショウジョウバエ成虫脳のグリアサブタイプ特異的に発現する遺伝子の機能解析	新		無脊椎動物遺 伝研究室	近藤 周
45	University of Massachusetts Amherst	Assistant Professor	Michele Markstein	Engineering and analysis of ABC transporter genes in <i>Drosophila</i>	新		無脊椎動物遺 伝研究室	近藤 周
46	秋田県立大学 システム科学技術学部	准教授	石本 志高	コンパクトな染色体3D構造および動態のシュミレーション研究および実験との融合研究	新		生体高分子 研究室	前島 一博

課題 番号	研究代表者			研究課題	新規/継続		所内研究代表者	
	所 属	職	氏 名			過年度	所属	氏名
47	名古屋大学 大学院工学研究科	教授	笹井 理生	クロマチン構造ダイナミクスの動 力学計算シミュレーション	継	2015(A1)	生体高分子研 究室	前島 一博
48	千葉大学 大学院融合科学研究科	教授	松浦 彰	変異ラミンAの発現により誘起さ れるクロマチン動態変化の分子機 構	新		生体高分子研 究室	前島 一博
49	山口大学 大学院創成科学研究科	助教	原 裕貴	線虫 <i>C. elegans</i> 染色体の無細胞 再構築系の確立	新		細胞建築 研究室	木村 暁
50	首都大学東京 理工学研究科	准教授	安藤 香奈絵	シナプス前終末でのミトコンドリア 減少によって引き起こされる神経 軸索変性のメカニズム	継	2015(B)	遺伝子回路 研究室	鈴木 えみ子
51	立教大学 理学部	教授	後藤 聡	細胞内オルガネラの局域の解析	新		遺伝子回路 研究室	鈴木 えみ子
52	大阪大学 大学院生命機能研究科	教授	深川 竜郎	セントロメア変動の分子機構	新		遺伝情報 分析研究室	池尾 一穂
53	東京農業大学 生物産業学部	准教授	遠藤 明仁	フルクトフィリック乳酸菌の比較ゲ ノム解析	継	2015(A1)	生命ネットワ ーク研究室	有田 正規
54	農業・食品産業技術総合研究機構 畜産研究部門 飼養管理技術研究領域	主任 研究員	遠野 雅徳	低温耐性乳酸菌の低温環境・バ イオマス糖質利用下における増 殖機構の解明	新		生命ネットワ ーク研究室	有田 正規
55	新潟大学 自然科学系	准教授	阿部 貴志	シニア専門家との協働作業による 遺伝学関係データベースのアン テーションの品質化	継	2014(A) 2015(A1)	大量遺伝 情報研究室	中村 保一
56	かずさDNA研究所	特任 研究員	長崎 英樹	ゼニゴケゲノム情報ポータルサイ トmarchantia.infoの構築	新		大量遺伝 情報研究室	中村 保一
57	学習院大学 大学院自然科学研究科	教授	阿形 清和	ゲノム進化の動態解析	新		先端ゲノミクス 推進センター	藤山 秋佐夫
58	大阪大学 大学院生命機能研究科	特任 助教	内村 有邦	1細胞解析を利用したマウス生殖 細胞における de novo 突然変異 の解明	新		比較ゲノム 解析研究室	豊田 敦
59	杏林大学 医学部	講師	平井 和之	ショウジョウバエの生殖様式を決 定づける遺伝的機構の解明	継	2014(A) 2015(A1)	比較ゲノム 解析研究室	豊田 敦
60	神戸大学 大学院農学研究科	教授	石井 尊生	イネの栽培化関連遺伝子の機能 解析	新		実験圃場	野々村 賢一
61	東京大学 大学院農学生命科学研究科	准教授	伊藤 純一	イネにおける葉の表皮構造の遺 伝的制御機構の解析	新		実験圃場	野々村 賢一
62	秋田県立大学 生物資源科学部	助教	上田 健治	イネ花粉突然変異体 <i>waf1</i> の解 析	新		実験圃場	野々村 賢一
63	横浜市立大学 木原生物学研究所	教授	木下 哲	イネの胚乳発生にみられる生殖 的隔離機構の解明	新		実験圃場	野々村 賢一
64	東京大学 大学院理学系研究科	教授	平野 博之	イネの形態形成とメリステム機能 に関する発生遺伝学的研究	新		実験圃場	野々村 賢一
65	新潟大学 自然科学系	助教	深井 英吾	植物の生殖細胞系列におけるレト ロトランスポゾン <i>LORE1a</i> の転写 機構の解析	新		実験圃場	野々村 賢一
66	鹿児島大学 学術研究院理工学域理学系	助教	加藤 太郎	日本産ゲンジおよびヘイケボタル のゲノム解析と遺伝子の地域間 比較による多様性解析	新		先端ゲノミクス 推進センター	野口 英樹
67	国立成育医療研究センター ゲノム医療研究部 成育疾患ゲノム研究室	室長	黒木 陽子	大型類人猿におけるサブテロメア 近傍領域の比較ゲノム解析	継	2014(A) 2015(A1)	先端ゲノミクス 推進センター	野口 英樹
68	北海道大学 大学院農学研究院連携部門	テニュアト ラック助教	高須賀 太一	木材侵食に関わる昆虫共生微生物 群の解明	継	2015(A1)	先端ゲノミクス 推進センター	野口 英樹

【共同研究(A2)】

課題 番号	研究代表者			研究課題	新規 ／ 継続	所内研究代表者	
	所 属	職	氏 名			所 属	氏 名
1	National Taiwan University	Associate Professor	Li-Jen Lee	NMDA receptor silencing in developing cortical subplate neurons	新	形質遺伝研究部門	岩里 琢治
2	University of Texas Southwestern Medical Center	Associate Professor	James F. Amatruda	Genetic and Translational Modeling of Pediatric Fusion Gene-Positive Sarcomas in Zebrafish	新	初期発生研究部門	川上 浩一
3	Max Planck Institute for Heart and Lung Research	Postdoctoral Fellow	Yu Hsuan Carol Yang	Identification of zebrafish gene/enhancer TRAP lines for the differential analysis of autonomic innervation in the endocrine pancreas	新	初期発生研究部門	川上 浩一
4	Cancer Center, Affiliated Hospital of The Academy of Military Medical Sciences (AMMS), Beijing, China	Assistant Professor	Hua YOU	Somatic mutation detection in primary central nervous systems lymphoma	新	人類遺伝研究部門	井ノ上 逸朗
5	INSERM / University of Lyon, FRANCE	1st grade reseacher	LESTERLIN, Christian	Control of DNA dynamics : Interplay between DNA compaction and gene expression	新	原核生物遺伝研究室	仁木 宏典
6	ウツズホール海洋生物学研究所	アソシエイトサイエンティスト(グループリーダー)	谷 知己	1分子蛍光偏光顕微鏡法による細胞内染色体DNAの分子配向マッピング	新	生体高分子研究室	前島 一博

合計 6課題

【共同研究(B)】

課題 番号	研究代表者			研究課題	新規/ 継続	所内研究代表者 代表者氏名	
	所属	職	氏名			所属	氏名
1	東京大学 大学院理学系研究科	准教授	野崎 久義	多細胞化初期段階におけるダイナミン遺伝子ファミリーの進化	新	共生細胞進化 研究部門	宮城島進也
2	北海道大学 大学院農学研究院	教授	荒木 仁志	環境DNAを用いた回遊性魚類における季節性検出技術の開発	新	生態遺伝学 研究部門	北野 潤
3	東北大学 学際科学フロンティア研究所	助教	大学 保一	ヒト細胞におけるDNAポリメラーゼ機能のゲノムワイド解析	新	分子細胞工学 研究部門	鐘巻 将人
4	長浜バイオ大学 バイオサイエンス学部	教授	山本 博章	毛周期の繰り返し回数をカウントするマウス長周期生物時計遺伝子の同定	新	哺乳動物 遺伝研究室	城石 俊彦
5	大阪大学 蛋白質研究所	准教授	大森 義裕	デメキン原因遺伝子の同定	新	比較ゲノム 解析研究室	豊田 敦

合計5課題

【研究会】

課題 番号	研究代表者			研究会名称	所内研究会代表者	
	所 属	職	氏 名		所属	氏名
1	福井工業大学 環境情報学部	准教授	柏山 祐一郎	水圏微生物のエネルギー利用戦略と その相互作用に関する研究会	共生細胞進化 研究部門	宮城島 進也
2	国立遺伝学研究所 人類遺伝研究部門	教授	井ノ上 逸朗	ゲノム医学とバイオインフォマティク スの接点と集学研究	人類遺伝 研究部門	井ノ上 逸朗
3	名古屋大学 大学院生命農学研究科	教授	一柳 健司	転移因子と宿主の相互作用による生 命機能と進化	育種遺伝 研究部門	角谷 徹仁
4	大阪大学 大学院理学研究科	教授	松野 健治	Fine tuning of Notch signaling activity : its importance and mechanisms	発生工学 研究室	相賀 裕美子
5	麻布大学 獣医学部	教授	菊水 健史	行動遺伝学研究会: 個体の繋がり の分子進化研究	マウス 開発 研究室	小出 剛
6	京都大学 ウイルス研究所	教授	秋山 芳展	単細胞システム細胞装置のダイナミ ズム	原核生物遺伝 研究室	仁木 宏典
7	名古屋大学 環境医学研究所	教授	荻 朋男	生物ゲノム安定維持の分子機構	原核生物遺伝 研究室	仁木 宏典
8	杏林大学 医学部	教授	栗崎 健	ショウジョウバエの生殖生物学	無脊椎動物 遺伝 研究室	近藤 周
9	基礎生物学研究所 クロマチン制御研究部門	教授	中山 潤一	クロマチン・細胞核の動的構造変換と エピジェネティック制御	生体 高分子 研究室	前島 一博
10	首都大学東京 都市教養学部	助教	野澤 昌文	分子進化学の現状と今後の展望	進化遺伝 研究部門	松本 知高
11	ライフサイエンス統合データ ベースセンター	特任 准教授	坊農 秀雅	次世代モデル生物におけるゲノム情 報利用ワークショップ	大量遺伝情報 研究室	中村 保一
12	神戸大学 大学院農学研究科	助教	石川 亮	イネ属近縁野生種研究会 - 遺伝的 多様性の分子育種への活用 -	実験圃場	野々村 賢一
13	東京大学 大学院農学生命科学研究科	准教授	伊藤 純一	イネ分子遺伝学の彷徨	実験圃場	野々村 賢一

合計13課題