

2009年度国立遺伝学研究所共同研究(A)追加募集採択一覧

共同研究(A)

整理番号	研究代表者			研究課題	新規継続の別	所内研究代表者		
	所属	職	氏名			所属	職	氏名
62	東京工業大学 生命理工学研究科 分子生命科学専攻	教授	岩崎 博史	ユビキチン系による組換え修復の制御機構	継続 (2008年度~)	分子遺伝研究系 変異遺伝研究部門	教授	山尾 文明
63	Institute of Biochemistry and Biophysics, Polish Academy of Sciences	Professor	Piotr Jonczyk	出芽酵母DNAポリメラーゼεのDpb2サブユニット変異の生化学的解析	新規	細胞遺伝研究系 微生物遺伝研究部門	教授	荒木 弘之
64	東北大学大学院 医学系研究科	助教	須藤 文和	樹状突起セグメント特異性を担う膜分子プレキシンの局在制御機構の解析	新規	個体遺伝研究系 発生遺伝研究部門	教授	広海 健
65	東北大学 加齢医学研究所 神経機能情報研究分野	教授	小椋 利彦	メカニカルストレス応答性miRNAの発現制御機構の解析	新規	個体遺伝研究系 初期発生研究部門	教授	川上 浩一
66	自治医科大学 細胞生物研究部	教授	川上 潔	Six1エンハンサーの解析	新規	個体遺伝研究系 初期発生研究部門	教授	川上 浩一
67	立命館大学 生命科学部	助教	河合 洋介	テナガザルゲノムDNAの分子系統解析	新規	集団遺伝研究系 集団遺伝研究部門	教授	斎藤 成也
68	茨城大学 工学部	准教授	北野 誉	系統ネットワーク法を用いたABO遺伝子の組換え機構の解析	新規	集団遺伝研究系 集団遺伝研究部門	教授	斎藤 成也
69	立正大学 社会福祉学部	教授	溝口 元	ゴールドシュミット文庫所蔵文献から見た遺伝学者のネットワーク	新規	集団遺伝研究系 集団遺伝研究部門	教授	斎藤 成也
70	独立行政法人理化学研究所バイオリソースセンター情報解析技術室	研究員	太田 聡史	哺乳類ゲノムの大規模SNP解析	継続 (2007年度~)	集団遺伝研究系 集団遺伝研究部門	教授	斎藤 成也
71	京都工芸繊維大学大学院 工芸科学研究科	准教授	伊藤 雅信	遺伝子間連鎖不平衡の季節変動に関する研究	新規	集団遺伝研究系 集団遺伝研究部門	准教授	高野 敏行
72	九州大学 生体防御医学研究所	准教授	佐渡 敬	反復配列とエピジェネティック制御	新規	総合遺伝研究系 人類遺伝研究部門	助教	一柳 健司
73	北海道大学大学院 地球環境科学研究院	准教授	鈴木 仁	野生マウスのLD解析	新規	系統生物研究センター哺乳動物遺伝研究室	教授	城石 俊彦
74	静岡県立大学 環境科学研究科	教授	下位 香代子	社会的ストレス負荷マウスの行動遺伝学的解析	新規	系統生物研究センターマウス開発研究室	准教授	小出 剛
75	京都大学大学院 理学研究科	教授	阿形 清和	全ゲノム配列・トランスクリプトーム解析を利用した進化研究	新規	生物遺伝資源情報総合センター比較ゲノム解析研究室	教授	藤山 秋佐夫
76	東京工業大学大学院 生命理工学研究科	教授	岸本 健雄	ヒトデBAC/fosmidライブラリーの作成	新規	生物遺伝資源情報総合センター比較ゲノム解析研究室	教授	藤山 秋佐夫
77	東京工業大学大学院 生命理工学研究科共通講座	教授	伊藤 武彦	新型シーケンサを利用したChIP-seqおよび新規ゲノム配列決定手法の開発に関する研究	新規	生物遺伝資源情報総合センター比較ゲノム解析研究室	特任 准教授	豊田 敦
78	大阪大学大学院 生命機能研究科	准教授	今田 勝巳	プロトンモーターフォース産生の比較構造生物学	新規	構造遺伝学研究センター超分子構造研究室	准教授	白木原 康雄
79	東京理科大学 基礎工学部	教授	松野 健治	Notch情報伝達系の新規構成遺伝子picanexの小胞体形成における機能に関する研究	新規	構造遺伝学研究センター遺伝子回路研究室	准教授	鈴木 えみ子
80	東京医科歯科大学 難治疾患研究所	准教授	新村 芳人	原核生物の非SD型タンパク質翻訳開始機構の比較ゲノム解析	新規	生命情報・DDBJ研究センター遺伝情報解析研究室	教授	五條堀 孝
81	長浜バイオ大学 バイオサイエンス学部	教授	池村 淑道	次世代シーケンサーが産出する超大量ゲノム塩基配列の多面的情報解析システムの構築	新規	生命情報・DDBJ研究センター大量遺伝情報研究室	教授	中村 保一

合計20件

2009年度国立遺伝学研究所研究会追加募集採択一覧

研究会

整理 番号	研究代表者			研究課題	開催 予定日	所内研究代表者		
	所属	職	氏 名			所 属	職	氏 名
9	生命情報・DDBJ研究センター遺 伝情報分析研究室	准教授	池尾 一穂	大規模データの表現方法～次世代ゲノ ムシーケンサーからの効率的なデータ 活用に向けて	09.12.06	生命情報・DDBJ研究 センター遺伝情報分 析研究室	准教授	池尾 一穂

合計1件