

ヒトゲノム・遺伝子解析研究実施に係る研究計画承認一覧

2025年4月1日

年度	承認番号	申請者	職	所属	研究課題名	研究期間		備考
						開始(承認)	終了	
H31/R1 (2019)	31-1	黒川 顕	教授	ゲノム進化研究室	過敏性腸症候群(IBS)と腸内細菌叢の関係性の解明	2019.4	2027.3	
R2 (2020)	R2-11	豊田 敦	特任教授	比較ゲノム解析研究室	複雑な染色体構造異常の発生メカニズムの解明	2020.9	2025.3	
	R2-15	池尾 一穂	准教授	遺伝情報分析研究室	髄液を用いた神経疾患の遺伝子解析研究	2020.9	2025.3	
	R2-16	池尾 一穂	准教授	遺伝情報分析研究室	HPV持続感染と子宮頸癌発癌機構の解明	2020.9	2025.3	
	R2-21	豊田 敦	特任教授	比較ゲノム解析研究室	全ゲノムシーケンスデータの解析による突然変異・遺伝的多様性・転写異常の包括的解析	2021.2	2024.11	
R3 (2021)	R3-4	藤原 豊史	特任助教	データサイエンス共同利用基盤施設 ライフサイエンス統合データベースセンター	希少難病における表現型を用いた疾患原因候補バリエント特定システムの開発	2021.4	2025.9	
	R3-5	豊田 敦	特任教授	比較ゲノム解析研究室	マルチオーム解析技術に基づく腸内環境評価系の構築	2018.2	2027.3	29-11から変更
R4 (2022)	R4-1	豊田 敦	特任教授	先端ゲノミクス推進センター	腎臓疾患および体液制御の異常に関わる危険遺伝子および遺伝子変異の同定	2021.4	2025.3	R3-3から変更
	R4-5	豊田 敦	特任教授	先端ゲノミクス推進センター	脳神経外科領域疾患の遺伝子解析研究	2023.3	2026.3	
R7 (2025)	R7-1	有田 正規	教授	生命情報・DDBJセンター	日本人乳癌患者シーケンスデータにおけるhypomorphic変異同定	2025.4	2026.3	R6-1から変更