

ゲノム多様性研究室

Genome Diversity Laboratory

准教授 森 宙史

Hiroshi Mori

連絡先: hmori@nig.ac.jp

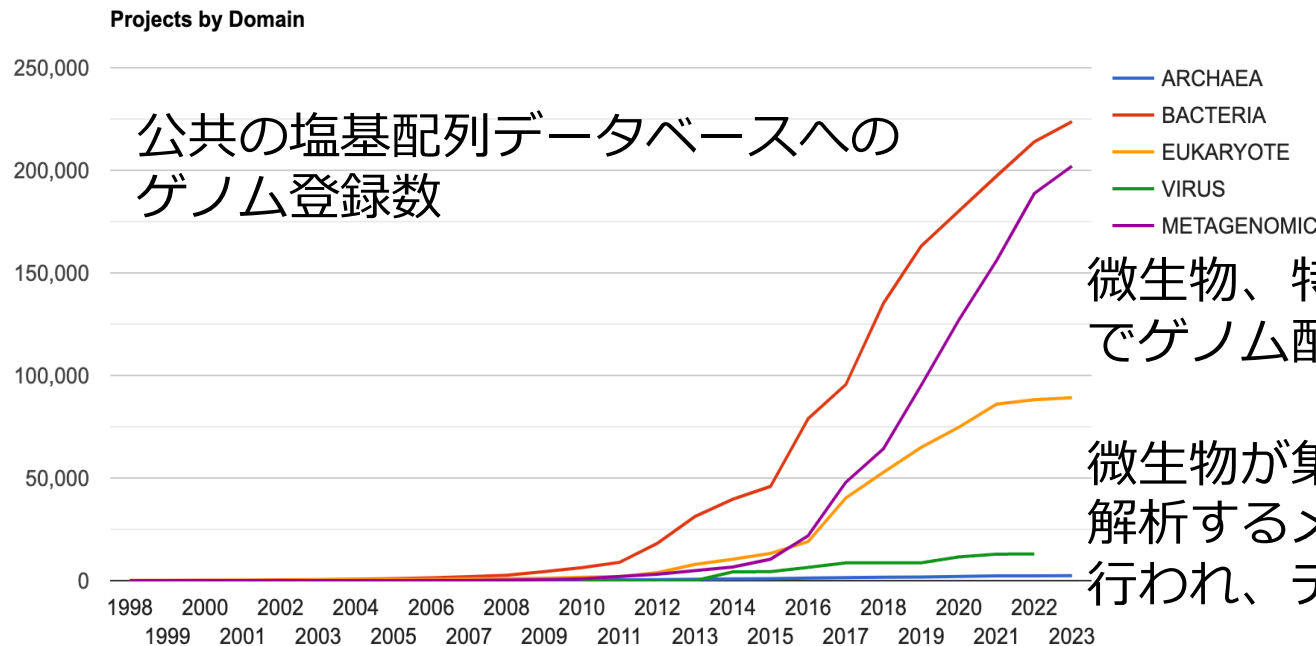
2021年度にできた新しい研究室です。

メンバー: D2学生1名

Webページ: <https://www.genome.id>

1. ゲノムの多様性と普遍性についての法則を明らかにする

2. 遺伝子組成と生息環境との関係性の解明（主に微生物が対象）



微生物、特にBacteriaは著しいスピードでゲノム配列データが蓄積している。

微生物が集まった微生物群集を解析するメタゲノム解析も盛んに研究が行われ、データが蓄積している。

バイオインフォマティクスの技術を用いてメタゲノムからゲノム配列を再構築して解析する

グラフのデータは
<https://gold.jgi.doe.gov/>から取得

古代DNA (ancient DNA)解析の流れ

古い生物の骨・歯等の組織標本

↓ ドリル等で削る

粉状のサンプル

↓ DNA抽出



↓ DNAシーケンス用サンプル調整



DNAシーケンシング

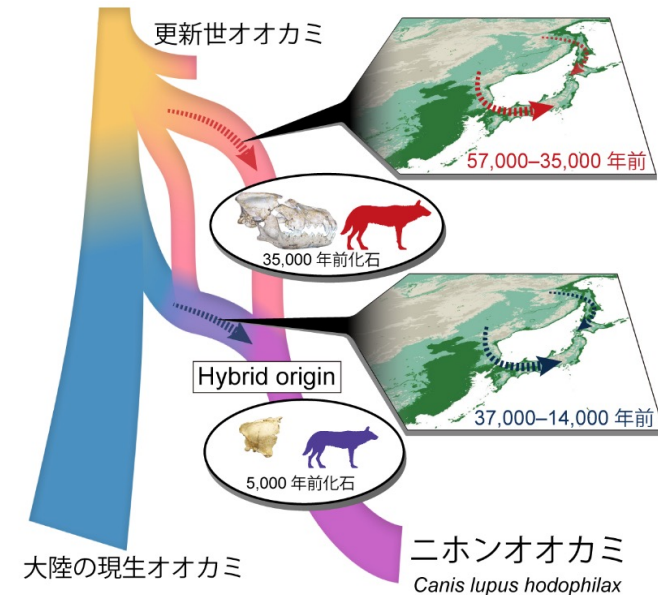
TogoTV (© 2016 DBCLS TogoTV)

ゲノム配列データの情報解析

・ 本州にかつて生息していたヒグマの起源の解明



・ ニホンオオカミの起源の解明



Curr. Biol. 2022