

有田・越水研究室（生命ネットワーク） CONTACT: arita@nig.ac.jp

バイオインフォマティクスの研究室です。主にゲノム、メタボロームを扱います。
具体的研究成果は、ResearchMap, Google Scholarなどで御覧ください。

- **微生物の比較ゲノム解析**

これまで乳酸菌・ビフィズス菌、ピロリ菌、ビブリオ菌の解析を実施しました。ヨーグルトのガセリ菌は実際はパラガセリ菌など、情報解析で新種も発見しました。

- **メタボロミクス**

MetaboBankという公共リポジトリを作成しています。様々な解析ソフトウェアも開発してきました。食品メタボロームや脂質メタボロームを中心に研究しています。

- **マルチオミクス解析**

ゲノムやトランスクリプトーム、メタボロームなどのオミクスデータを用いて、植物の生殖に関連する重要因子の同定を行なっています。現在は花の構造色の発色に必要な花卉表面の微細構造形成に関わる因子や、植物の精子形成に必要な因子について研究をしています。

公共データベースDDBJ

有田研は塩基配列データベースDDBJの事業と密接に関係しています。
ビッグデータ解析や、データサイエンスに興味がある人を募集します。
ヒトゲノム解析や情報倫理についても、様々な活動をしています。



ラボメンバー（2022春の写真で一部入替）



研究方針

共同研究重視です。学生は留学させます。理研CSRSのチームもあるため、希望者はCSRS研究生として横浜で研究実施します。24年度以降はJSTの「バイオものづくり」事業に大きく関与します。

DDBJについて：

<https://www.ddbj.nig.ac.jp/>

連絡先： arita@nig.ac.jp

2023 -24スタッフ構成

教授 有田正規（理研CSRS兼務、よろづ解析）

助教 越水 静（植物ゲノム解析、実験）

技術補佐員 パク・ジェヒョク（韓国）

技術補佐員 補充予定

学生D3：ドゥアー・ザカリア（シリア）

ボローニャ大と共同で長寿ゾウガメのメタゲノムを解析しています。理研CSRS研究生。

学生D1：アミア・ラキモフ（カザフスタン）

熊本大と共同でハダカデバネズミの解析をしています。今度シンガポールに短期滞在予定。

学生D1: ジェイソン・シュレシンジャー（米国）

CSRS研究生で、薬用植物クララのゲノム解析をおこなっています。

秘書： 榎、村形、山本