

ゲノム多様性研究室 Genome Diversity Laboratory

2021年度にできた新しい研究室です。

メンバー: ポスドク1名、D1学生1名

研究室webページ: <https://www.genome.id/>

准教授 森 宙史

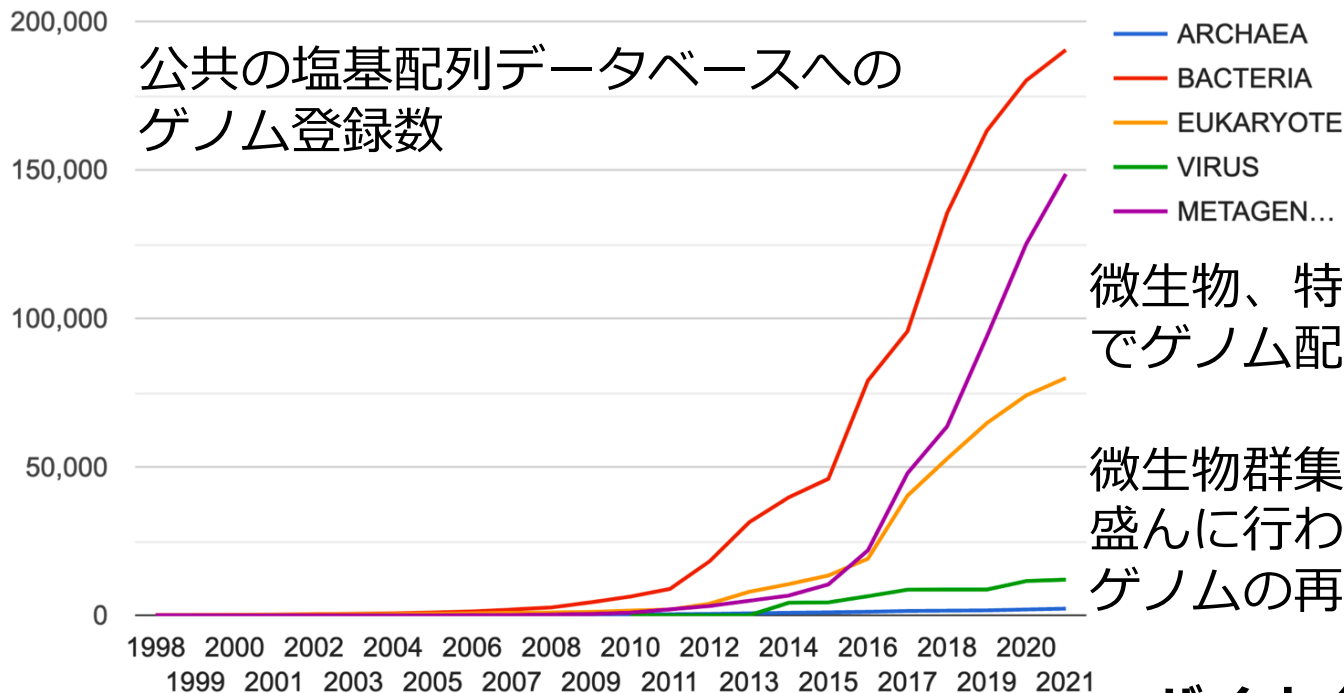
Hiroshi Mori

連絡先: hmori@nig.ac.jp

1. ゲノムの多様性と普遍性についての法則を明らかにする

2. 遺伝子組成と生息環境との関係性の解明 (主に微生物が対象)

Projects by Domain



微生物、特に原核生物は著しいスピードでゲノム配列データが蓄積している。

微生物群集を解析するメタゲノム解析も盛んに行われ、メタゲノムデータからのゲノムの再構築も可能になりつつある。

グラフのデータは
<https://gold.jgi.doe.gov/>から取得

バイオインフォマティクスの技術を用いてゲノムデータを解析する

動物の古代DNA (ancient DNA)解析

・ [絶滅した巨大な鳥 \(エピオルニス\) の進化系統の推定](#) [Curr. Biol. 2017](#)

古い生物の骨・歯等の組織標本

↓ ドリル等で削る

粉状のサンプル

↓ DNA抽出



↓ DNAシーケンス用サンプル調整



TogoTV (© 2016 DBCLS TogoTV)

DNAシーケンシング

ゲノム配列データの情報解析



・ [本州にかつて生息していたヒグマの起源の解明](#)



・ [ニホンオオカミの起源の解明](#)

