

ゲノム多様性研究室

Genome Diversity Laboratory

今年度できた新しい研究室です

准教授 森 宙史

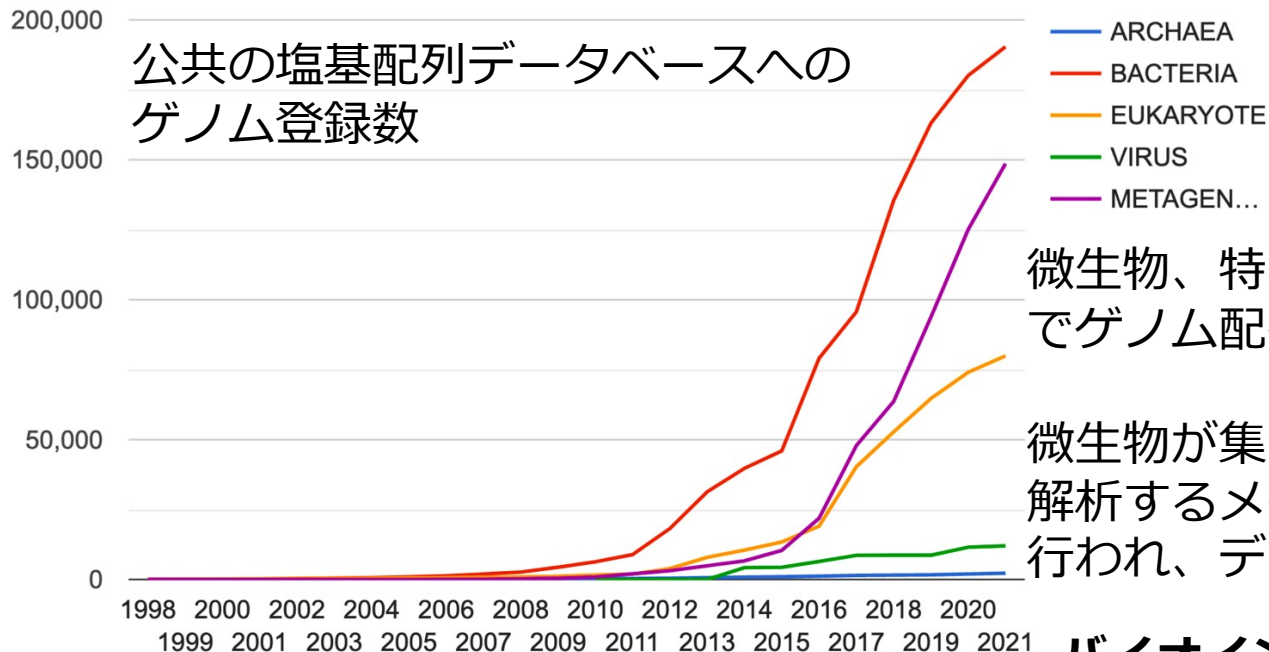
Hiroshi Mori

連絡先: hmori@nig.ac.jp

1. ゲノムの多様性と普遍性についての法則を明らかにする

2. 遺伝子組成と生息環境との関係性の解明（主に微生物が対象）

Projects by Domain



微生物、特にBacteriaは著しいスピードでゲノム配列データが蓄積している。

微生物が集まった微生物群集を解析するメタゲノム解析も盛んに研究が行われ、データが蓄積している。

グラフのデータは
<https://gold.jgi.doe.gov/>から取得

バイオインフォマティクスの技術を用いてゲノムデータを解析する

古代DNA (ancient DNA)解析の流れ

古い生物の骨・歯等の組織標本

↓ ドリル等で削る

粉状のサンプル

↓ DNA抽出



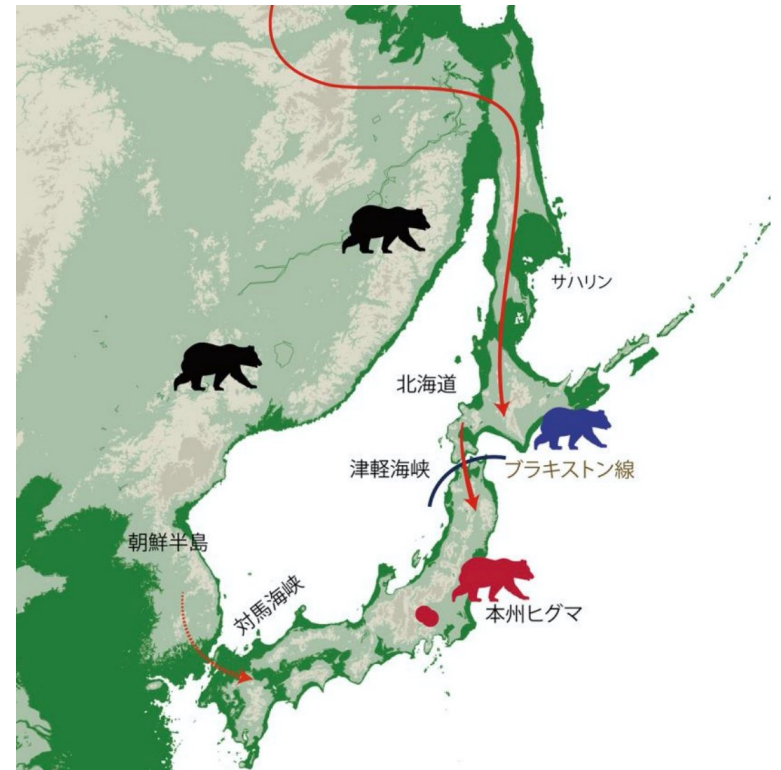
↓ DNAシーケンス用サンプル調整



DNAシーケンシング

Togo picture gallery by DBCLS is licensed under a Creative Commons Attribution 2.1 Japan license (c)

- ・絶滅した巨大な鳥（エピオルニス）の進化系統の推定 Curr. Biol. 2017
- ・本州にかつて生息していたヒグマの起源の解明



Royal Soc. Open Sci. 2021

ゲノム配列データの情報解析